

**Pokročilé programování
v jazyce C pro chemiky
(C3220)**

Načítání a zápis PDB souboru

Třída `string`

- Typ `string` není základním vestavěným typem ale je implementován jako třída ve standardní knihovně C++
- Třída `string` obsahuje některé užitečné metody:
 - `length()` - vrátí počet znaků v řetězci
 - `size()` - totéž jako `length()`
 - `operator[](int pos)` - vrátí znak na pozici `pos`
 - `substr(int pos, int n)` - vrátí podřetězec dlouhý `n` znaků začínající na pozici `pos`
 - `c_str()` - vrátí řetězec jak je používán v C, tj. typ `char*` (např. pro předání řetězce funkcím které akceptují pouze klasické řetězce `char*` a nepodporují `string`)
- Podrobnější informace lze nalézt na:
<http://www.cplusplus.com/reference/string/string/>
- Uvedené metody nekontrolují platnost řetězce, tj. pokud do proměnné typu `string` nepřičadíme žádný řetězec, je řetězec nedefinován a pokus o práci s ním vede k chybě programu
- Uvedené metody nekontrolují velikost řetězce, tj. před zavoláním metody musíme zkontrolovat velikost řetězce

Formátování výstupu

- Pro formátování výstupů používáme tzv. **manipulátory**
- Pro použití manipulátorů je třeba v záhlaví zdrojového souboru deklarovat `#include <iomanip>` a `using namespace std;`
- Manipulátory se používají ve spojení s operátorem `<<`
- Manipulátory nastavují formátování a různé parametry pro načítání vstupu a výstupu

```
#include <iostream>
#include <iomanip>
using namespace std;

int main()
{
    // Vypise cele cislo zarovnanе doprava, minimalne 5 znaku,
    // (zleva se doplni mezery)
    cout << right << setw(5) << 234 << endl;

    // Nasledujici prikaz vypise realne cislo s platnosti na 2
    //desetinna mista, tj. 456.15
    cout << fixed << setprecision(2) << 456.15738 << endl;

    return 0;
}
```

Manipolátory k I/O formátování

- Následující manipulátory lze použít pro formátování **výstupu**:

`fixed` - výstup reálného čísla ve formátu 123.45

`scientific` - výstup reálného čísla ve formátu 1.2345E2

Výchozí chování je takové, že se vybere *fixed* nebo *scientific* tak aby vypsaná přesnost byla co nejvyšší.

`left` - zarovnáva výpis do leva

`right` - zarovnáva výpis do prava

`setw(n)` - nastaví minimální počet vypisovaných znaků `n` pro nejbližší operaci výpisu (pro celá čísla nebo řetězce).

`setfill(c)` - nastaví použití znaku `c` pro vyplnění výpisu pokud je šířka (nastavená pomocí `setw()`) větší než je vyžadováno.

`setprecision(n)` - nastavuje počet číslic za desetinnou tečkou (pro výpis `fixed` a `scientific` se vypíše přesně `n` cifer za desetinnou tečkou a případně doplní zprava nulami, při výchozím/implicitním nastavení se jedná pouze o maximální celkový počet cifer před a za desetinnou tečkou).

Manipulátory k I/O formátování

- Následující manipulátory lze použít při načítání ze **vstupu**:
 - skipws** - nastaví přeskakování bílých znaků (mezera, tabulátor, konec řádku) při načítání (toto je výchozí nastavení)
 - noskipws** - nastaví, že bílé znaky nebudou přeskakovány
 - ws** - načítá bílé znaky tak dlouho dokud nenarazí na nebílý znak
- Podrobný výčet manipulátorů se nachází na:
<http://www.cplusplus.com/reference/iostream/manipulators/>

Načítání PDB souboru v C++

- PDB formát se používá pro ukládání struktur biomolekul v PDB databázi www.rcsb.org
- Data PDB souboru jsou organizována jako *fixed format*, tj. každá položka má přesně udanou pozici na řádku
- Dokumentace k PDB formátu je dostupná na: <http://www.wwpdb.org/docs.html>
- Každý řádek PDB souboru obsahuje na začátku 6 znaků identifikujících typ dat na daném řádku
- Souřadnice atomů se načítají z řádků ATOM (pro standardní residua) a HETATM (pro nestandardní residua)
- Načítání PDB souboru v C++ je podobné jako v C, ale využívají se proměnné typu `string` a odpovídající metody (např. `substr()`, `length()`), proudy `stringstream` a jejich metody (operátor `>>`, `str()`, `clear()`, `fail()`)
- Zápis PDB souboru v C++ je podobný jako v C, zapisuje se do proudu pomocí operátoru `<<` a pro formátování se používají manipulátory (`fixed`, `left`, `right`, `setw()`, `setprecision()`)

Struktura záznamu ATOM a HETATM

```

ATOM          7  CG2  THR  A    1           18.159  11.531   6.124   1.00  10.28           C
ATOM.....7..CG2..THR..A..1.....18.159..11.531..6.124..1.00..10.28.....C
1   5   10   15   20   25   30   35   40   45   50   55   60   65   70   75

```

1	-	6	"ATOM "	
7	-	11	serial	Atom serial number
13	-	16	name	Atom name
17			altLoc	Alternate location indicator
18	-	20	resName	Residue name
21				
22			chainID	Chain identifier
23	-	26	resSeq	Residue sequence number
27			iCode	Code for insertion of residues
28	-	30		
31	-	38	x	Coordinates for X in Angstroms
39	-	46	y	Coordinates for Y in Angstroms
47	-	54	z	Coordinates for Z in Angstroms
55	-	60	occupancy	Occupancy
61	-	66	tempFactor	Temperature factor
77	-	78	element	Element symbol, right-justified
79	-	80	charge	Charge on the atom

Třídy pro načítání PDB souboru

- Informace načítané z řádků ATOM a HETATM ukládáme to třídy Atom, která obsahuje datové členy pro uložení informace o jednom atomu a odpovídající metody

```
// Pro možnost vypisu na standardni vystup (cout) vlozime:
#include <iostream>
// Pro práci se souborovými proudy (ifstream a ofstream) vlozime:
#include <fstream>
// Pro práci s retezcovými proudy (istringstream) vlozime:
#include <sstream>
// Pro práci s manipulatory vlozime:
#include <iomanip>
// Pro práci s kontejnerem vector<> vlozime:
#include <vector>
// Pro primy pristup ke jemnum promennych a funkci standardni knihovny
// deklarujeme jmenny prostor std:
using namespace std;

class Atom
{
    // Cleny tridy Atom
};

int main(int argc, char *argv[])
{
}
```


Třída Atom - datové členy

```
class Atom
{
public:
    // Tady budou verejne metody
private:
    int recordType;    // Rozliseni radku ATOM a HETATM
    int atomNumber;
    string atomName;
    char alternateLocation;
    string residueName;
    char chainId;      // Znak identifikujici retezec
    int residueNumber; // Cislo residua
    char iCode;
    double coordX, coordY, coordZ; // Kartezske souradnice atomu
    double occupancy;
    double tempFactor;
    string elementName;
    string formalCharge;
    bool isOccupancy;    // Byla nactena occupancy?
    bool isTempFactor;  // Byl nacten teplotni faktor?
};
```

Třída Atom - metody a statické členy

```
class Atom
{
public:
    // Nasledujici staticke konstatntni promenne slouzi k nastaveni
    // hodnoty v recordType
    static const int RECORD_UNKNOWN = 0;
    static const int RECORD_ATOM = 1;
    static const int RECORD_HETATM = 2;
public:
    // Konstruktor – zde inicializujeme vsechny datove cleny
    // Retezce je vhodne inicializovat prazdnym retezcem "" nebo
    // v tomto pripade lepe mezerami, tj. pro jmeno atomu 4 mezery,
    // pro jemno residua 3, pro jmeno prvku 2
    Atom();

    // Metoda pro nacteni radku
    void readLine(const string &line);

    // Metoda pro zapis radku do PDB souboru
    void writeLine(ofstream &ofile);

    // Metoda pro vypis testovacich informaci o atomu na standardni vystup
    void print();

    // Zde mohou byt dalsi metody, napr. pro pristup k datovym clenum
    // napr. getAtomNumber(), getAtomName(), getRresidueName()
};
```

Načítání řádků z PDB souboru

```
string line, recordName;
ifstream ifile;
Atom *atom = 0;
vector<Atom*> atomsContainer;
string inputPdbFileName = "1jxy_noal.pdb";

ifile.open(inputPdbFileName.c_str());
    // Zde musi byt osetreni chybného otevreni souboru

while (!ifile.eof())
{
    getline(ifile, line);
    if (line.length() >= 6)
    {
        // Zkopirujeme prvnych 6 znaku do recordName
        recordName = line.substr(0, 6);
        if (recordName == "ATOM  " || recordName == "HETATM")
        {
            atom = new Atom;
            //Metoda readLine() nacte z radku vsechna data pro dany atom
            atom->readLine(line);
            atomsContainer.push_back(atom); // Atom vlozime do kontejneru
        }
    }
}
ifile.close();
```

Načtení záznamu ATOM a HETATM - část 1

```
void Atom::readLine(const string &line)
{
    string recordName, s; // s je pomocna retezcova promenna
    istringstream sstream;

    if (line.length() < 53) { cout<<"Prilis kratky radek!"<<endl; return;}
    // Zkopirujeme prvnic 6 znaku do recordName
    recordName = line.substr(0, 6);
    if (recordName == "ATOM ") recordType = RECORD_ATOM;
    else if (recordName == "HETATM") recordType = RECORD_HETATM;
    else return; // Neni-li to ATOM ani HETATM nelze pokracovat

    // Nacteme cislo atomu
    s = line.substr(6, 5); // 5 znaku od pozice 6 se zkopiruje do s
    sstream.str(s); // Do retezcoveho proudu nastavime retezec s
    sstream.clear(); // Odstranime pripadny chybovy stav proudu
    sstream >> atomNumber; // Nacitame cislo atomu
    if (sstream.fail()) { /*Nahlasime chybu a vyskocime z metody.*/ }

    // Nacteme jmeno atomu
    // z retezce line se zkopiruji 4 znaky od pozice 12 do atomName
    atomName = line.substr(12, 4);

    // Nacteme alternate location indicator
    alternateLocation = line[16]; // Zkopiruje se znak na pozici 16
    // Pokracovani na dalsi strance
```

Načtení záznamu ATOM a HETATM - část 2

```
// Pokracovani metody readLine() z predchozi stranky

// Zde se nactou data do promennych residueName, chainId,
// residueNumber, iCode

    // Nacteme souradnice - nacteme vsechny tri najednou
s = line.substr(30, 24);
sstream.str(s);
sstream.clear();
sstream >> coordX >> coordY >> coordZ;
if (sstream.fail()) { /*Nahlasime chybu a vyskocime, vratime false*/ }

    // Nacteme occupancy
if (line.length() >= 60) // Pouze pokud je radek delsi nez 60 znaku
{
    s = line.substr(54, 6);
    stringstream.str(s);
    stringstream.clear();
    stringstream >> occupancy;
    if (!stringstream.fail())
        isOccupancy = true; // Occupancy byla uspesne nactena
        // Occupancy je nepovinna, takze i pri nenacteni muzeme pokracovat
}

// Zde nacteme tempFactor, elementName, formalCharge
// Nezapomeneme predtim vzdy zkontrolovat delku radku
} // Konec metody readLine()
```

Zápis do PDB souboru - část 1

```
// Nekde ve funkci main nebo vhodne funkci/metode bude umisten kod
// ktery otevre vystupni soubor a potom bude pro jednotlivé atomy
// volat nasledujici metodu
```

```
void Atom::writeLine(ofstream &ofile)
{
    // Zapiseme jmeno zaznamu ATOM nebo HETATM
    if (recordType == RECORD_ATOM)
        ofile << "ATOM ";
    else if (recordType == RECORD_HETATM)
        ofile << "HETATM";
    // Zapiseme cislo atomu, 5 znaku zarovnaných do prava
    ofile << right << setw(5) << atomNumber;
    ofile << ' '; // Zde je v PDB vždy mezera
    // Zapiseme jmeno atomu, 4 znaky zarovnané do leva
    ofile << left << setw(4) << atomName;
    // Zapiseme jeden znak alternate location
    ofile << alternateLocation;
    // Zapiseme jmeno residua, 3 znaky zarovnané do leva
    ofile << left << setw(3) << residueName;
    ofile << ' '; // Zde je v PDB vždy mezera
    ofile << chainId; // Zapiseme jeden znak identifikujici retezec
    // Zapiseme cislo residua, 4 znaky zarovnané do prava
    ofile << right << setw(4) << residueNumber;
    ofile << iCode; // Zapiseme jeden znak insert code
    ofile << " "; // Zde jsou v PDB vždy 3 mezery
    // Pokracovani na dalsi strance
```

Zápis do PDB souboru - část 2

```
// Pokracovani metody write_line() z predchozi stranky

// Zapiseme kartezske souradnice atomu zarovnanne doprava
// s fixnim poctem cislic za desetinnou teckou (manipulator fixed),
// pocet desetinnnych mist bude 3 a celkovy pocet zapsanych
// znaku je 8 (vc. desetinne tecky)
ofile << right << fixed << setprecision(3);
ofile << setw(8) << coordX;
ofile << setw(8) << coordY;
ofile << setw(8) << coordZ;

if (isOccupancy) // Zapiseme occupancy
    ofile << right << fixed << setprecision(2) << setw(6) << occupancy;
else
    ofile << " ";

if (isTempFactor) // Zapiseme teplotni faktor
    ofile << right << fixed << setprecision(2) << setw(6) << tempFactor;
else
    ofile << " ";

ofile << " "; // Zde je v PDB souboru vzdy 10 mezer
ofile << right << setw(2) << elementName;
ofile << left << setw(2) << formalCharge;

ofile << endl; // Zapiseme znak konce radku
} // Konec metody writeLine()
```

Třída Application

- V jazyce C++ často používáme třídu Application, která je hlavní třídou programu a soustřeďuje nejdůležitější data a metody
- Ve funkci main() pak pouze vytvoříme objekt typu Application a zavoláme jeho metodu run(), která obsahuje veškerý hlavní kód

```
class Application
{
public:
    Application();
    ~Application(); // Destruktor, zde se uvolni alokovana pamet
    // V metode run() bude veskery hlavni kod, ktery jsme
    // drive umistovali do funkce main()
    int run(int argc, char *argv[]);
    bool readPdbFile();
    void writePdbFile();
private:
    string inputPdbFileName;
    string outputPdbFileName;
    vector<Atom*> atomsContainer;
};

int main(int argc, char *argv[])
{
    Application app;
    return app.run(argc, argv);
}
```


Dodržujte následující pravidla

- V konstruktoru vždy inicializujte datové členy třídy (obvykle se inicializují jen proměnné základních typů, proměnné objektových typů obvykle není třeba inicializovat, protože jsou inicializovány ve svých konstruktorech).
- V destruktoru vždy uvolněte dynamicky alokovanou paměť (týká se jen situace, kdy ukazatele ukazující na tuto paměť jsou členy třídy).
- Program vytvářejte postupně, nejdříve vytvořte definice tříd a metody, jejich těla ponechejte prázdná a program přeložte. Potom přidávejte kód, vždy po dokončení důležité části program přeložte a otestujte.

Cvičení

1. Vytvořte program který načte atomy z PDB souboru (řádky ATOM a HETATM) a zapíše je do jiného souboru.
 - Jméno vstupního a výstupního souboru bude specifikováno na příkazovém řádku
 - Program otestujte se souborem
/home/mprokop/C3220/data/1jxy_noal.pdb
 - Objekty typu `Atom` alokujte vždy dynamicky (pomocí operátoru **new**) a ukládejte do kontejneru `vector<>`
 - V programu použijte třídu `Application`
 - V destruktoru třídy `Application` nezapomeňte uvolnit paměť alokovanou pro atomy a vyprázdnit kontejner
 - Chybové hlášky upravte tak, aby nahlásily na kterém řádku ve vstupním PDB souboru chyba nastala

6 bodů